

**Штаммы бактерий, выделенные из донных отложений техногенного щелочного водоёма**  
**[Bacterial strains isolated from bottom sediments of the alkaline waste stabilization pond]**

Штамм: номер в GenBank (ген 16S рPHK) [Strain: GenBank number (16S rRNA gene)]	Донные отложения: № колонки, глубина, м [Bottom sediments: column number, depth, m]	Ближайший типовой штамм по гену 16S рPHK (номер в GenBank) [Closest type strain, 16S rRNA gene (GenBank number)]	Сходство, % [Similarity, %]
<b>Бактерии семейства <i>Bacillaceae</i> (филум <i>Bacillota</i>, класс <i>Bacilli</i>, порядок <i>Caryophanales</i>)</b> <b>[Bacteria of the family <i>Bacillaceae</i> (phylum <i>Bacillota</i>, class <i>Bacilli</i>, order <i>Caryophanales</i>)]</b>			
CXP-19 (OQ359534)	№ 2, 0,51–0,68	<i>Cytobacillus purgationiresistens</i> DS22 <sup>T</sup> (FR666703)	99,76
CX3-2 (OQ359535)	№ 3, 0,12–0,35; 0,69–0,85; 1,02–1,32; 1,52–1,82	<i>Oceanobacillus kimchii</i> X50 <sup>T</sup> (AOCX01000002)	100
CX2-5 (OQ359536)	№ 2, 0,51–0,68 № 3, 0,85–1,02; 1,52–1,82	<i>Salipaludibacillus neizhouensis</i> JSM 071004 <sup>T</sup> (EU925618)	99,18
CX3-6 (OQ359537)	№ 2, 0,51–0,68 № 3, 0,85–1,02; 1,52–1,82	<i>Salipaludibacillus neizhouensis</i> JSM 071004 <sup>T</sup> (EU925618)	97,75
CX3-4 (OQ359538)	№ 2, 0,51–0,68 № 3, 0,85–1,02; 1,52–1,82	<i>Salipaludibacillus neizhouensis</i> JSM 071004 <sup>T</sup> (EU925618)	98,71
CX3-18 (OQ359539)	№ 2, 0,16–0,51; 0,68–1,31; 1,88–2,13; № 3, 0,69–0,85; 1,02–1,32	<i>Evansella clarkia</i> DSM 8720 <sup>T</sup> (KV917376) <i>Evansella polygoni</i> YN-1 <sup>T</sup> (AB292819)	100
CX3-5 (OQ359540)	№ 3, 0,12–0,25	<i>Evansella cellulositytica</i> DSM 2522 <sup>T</sup> (CP002394)	98,35
CX2-1 (OQ359541)	№ 2, 0,16–0,51; 0,68–1,31; 1,88–2,13; № 3, 0,69–0,85; 1,02–1,32	<i>Evansella clarkia</i> DSM 8720 <sup>T</sup> (KV917376) <i>Evansella polygoni</i> YN-1 <sup>T</sup> (AB292819)	100
CX2-2 (OQ359542)	№ 2, 1,04–1,88	<i>Bacillus zhangzhouensis</i> DW5-4 <sup>T</sup> (JOTP01000061) <i>Bacillus safensis</i> subsp. <i>Safensis</i> FO-36b <sup>T</sup> (ASJD01000027) <i>Bacillus safensis</i> subsp. <i>osmophilus</i> BC09 <sup>T</sup> (KY990920)	100
CX2-3 (OQ359543)	№ 2, 1,04–1,31	<i>Alkalihalobacillus akibai</i> 1139 <sup>T</sup> (AB043858)	97,27
CX2-3.1 (OQ402688)	№ 2, 1,04–1,31	<i>Alkalihalobacillus akibai</i> 1139 <sup>T</sup> (AB043858)	97,12
CX2-4 (OQ359544)	№ 2, 0,51–0,68	<i>Paralkalibacillus indicireducens</i> Bps-1 <sup>T</sup> (LC197841)	100
CXP-23 (OQ359545)	№ 2, 0–0,16	<i>Exiguobacterium mexicanum</i> 8N <sup>T</sup> (AM072764)	100
<b>Бактерии семейства <i>Halomonadaceae</i> (филум <i>Pseudomonadota</i>, класс <i>Gammaproteobacteria</i>, порядок <i>Oceanospirillales</i>)</b> <b>[Bacteria of the family <i>Halomonadaceae</i> (phylum <i>Pseudomonadota</i>, class <i>Gammaproteobacteria</i>, order <i>Oceanospirillales</i>)]</b>			
CX2-8 (OQ359546)	№ 2, 2,0–0,16	<i>Halomonas meridian</i> DSM 5425 <sup>T</sup> (AJ306891) <i>Halomonas axialensis</i> Althf1 <sup>T</sup> (AF212206)	100
CX3-1 (OQ359547)	№ 3, 1,52–1,82	<i>Halomonas alkalicola</i> 56-L4-10aEn <sup>T</sup> (KU530128)	99,64
<b>Бактерии семейства <i>Micrococcaceae</i> (филум <i>Actinomycetota</i>, класс <i>Actinomycetia</i>, порядок <i>Micrococcales</i>)</b> <b>[Bacteria of the family <i>Micrococcaceae</i> (phylum <i>Actinomycetota</i>, class <i>Actinomycetia</i>, order <i>Micrococcales</i>)]</b>			
CX3-3 (OQ359548)	№ 2, 0,16–0,42; 0,68–1,04 № 3, 0,85–1,02	<i>Micrococcus luteus</i> NCTC 2665 <sup>T</sup> (CP001628)	99,88
CXP-11 (OQ359549)	№ 2, 0,16–0,42; 0,68–1,04 № 3, 0,85–1,02	<i>Micrococcus luteus</i> NCTC 2665 <sup>T</sup> (CP001628)	99,75
CXP-17 (OQ359550)	№ 2, 0,16–0,42; 0,68–1,04 № 3, 0,85–1,02	<i>Micrococcus luteus</i> NCTC 2665 <sup>T</sup> (CP001628)	100
CX2-7 (OQ359551)	№ 2, 0,16–0,42; 0,68–1,04 № 3, 0,85–1,02	<i>Micrococcus luteus</i> NCTC 2665 <sup>T</sup> (CP001628)	100

CXP-7 (OQ359552)	№ 2, 0,16–0,42; 1,88–2,13 № 3, 0,25–0,38; 1,52–1,82	<i>Micrococcus endophyticus</i> YIM 56238 <sup>T</sup> (EU005372)	100
CXP-15 (OQ359553)	№ 2, 0,68–0,93 № 3, 0,69–0,85	<i>Micrococcus terreus</i> CGMCC 1.7054 <sup>T</sup> (jgi.1058018)	100
CXP-33 (OQ359554)	№ 3, 0,12–0,25; 0,69–0,85; 1,02–1,32	<i>Kocuria palustris</i> DSM 11925 <sup>T</sup> (Y16263)	99,47
CXP-14 (OQ359555)	№ 2, 1,88–2,13 № 3, 0,25–0,38; 0,69–0,85	<i>Kocuria palustris</i> DSM 11925 <sup>T</sup> (Y16263)	99,65
CXP-13 (OQ359556)	№ 2, 0,68–0,93 № 3, 0,38–0,69; 1,52–1,82	<i>Kocuria carniphila</i> CCM 132 <sup>T</sup> (AJ622907)	99,65
<b>Бактерии семейства <i>Paracoccaceae</i> (филум <i>Pseudomonadota</i>, класс <i>Alphaproteobacteria</i>, порядок <i>Rhodobacterales</i>)</b> [Bacteria of the family <i>Paracoccaceae</i> (phylum <i>Pseudomonadota</i> , class <i>Alphaproteobacteria</i> , order <i>Rhodobacterales</i> )]			
CXP-20 (OQ359557)	№ 2, 0,16–0,42	<i>Paracoccus aerius</i> 011410 <sup>T</sup> (KX664462)	100
<b>Бактерии семейства <i>Microbacteriaceae</i> (филум <i>Actinomycetota</i>, класс <i>Actinomycetes</i>, порядок <i>Micrococcales</i>)</b> [Bacteria of the family <i>Microbacteriaceae</i> (phylum <i>Actinomycetota</i> , class <i>Actinomycetes</i> , order <i>Micrococcales</i> )]			
CXP-26 (OQ359558)	№ 2, 0,16–0,42 № 3, 0,38–0,69; 1,52–1,82	<i>Microbacterium paraoxydans</i> NBRC 103076 <sup>T</sup> (BCRH01000180)	100
CXP-56 (OQ359559)	№ 3, 0–0,12	<i>Microbacterium algeriense</i> G1 <sup>T</sup> (MK480726)	100
<b>Бактерии семейства <i>Brevibacteriaceae</i> (филум <i>Actinomycetota</i>, класс <i>Actinomycetes</i>, порядок <i>Micrococcales</i>)</b> [Bacteria of the family <i>Brevibacteriaceae</i> (phylum <i>Actinomycetota</i> , class <i>Actinomycetes</i> , order <i>Micrococcales</i> )]			
CXP-21 (OQ359560)	№ 2, 0,16–0,42	<i>Brevibacterium ptyocampae</i> DSM 21720 <sup>T</sup> (EU484189)	99,87
CXP-53 (OQ359561)	№ 3, 0,25–0,38	<i>Brevibacterium ptyocampae</i> DSM 21720 <sup>T</sup> (EU484189)	100
<b>Бактерии семейства <i>Dietziaceae</i> (филум <i>Actinomycetota</i>, класс <i>Actinomycetes</i>, порядок <i>Mycobacteriales</i>)</b> [Bacteria of the family <i>Dietziaceae</i> (phylum <i>Actinomycetota</i> , class <i>Actinomycetes</i> , order <i>Mycobacteriales</i> )]			
CXP-24 (OP787986)	№ 2, 0–0,16 № 3, 0,25–0,85	<i>Dietzia kunjamensis</i> subsp. <i>kunjamensis</i> DSM 44907 <sup>T</sup> (RAQB01000007)	100
<b>Бактерии семейства <i>Ornithinimicrobiaceae</i> (филум <i>Actinomycetota</i>, класс <i>Actinomycetes</i>, порядок <i>Micrococcales</i>)</b> [Bacteria of the family <i>Ornithinimicrobiaceae</i> (phylum <i>Actinomycetota</i> , class <i>Actinomycetes</i> , order <i>Micrococcales</i> )]			
CXP-45 (OQ359562)	№ 3, 0,38–0,69	<i>Ornithinimicrobium algicola</i> JC311 <sup>T</sup> (LN866650) <i>Ornithinimicrobium pratense</i> W204 <sup>T</sup> (MN160318)	98,66
<b>Бактерии семейства <i>Dermabacteraceae</i> (филум <i>Actinomycetota</i>, класс <i>Actinomycetes</i>, порядок <i>Micrococcales</i>)</b> [Bacteria of the family <i>Dermabacteraceae</i> (phylum <i>Actinomycetota</i> , class <i>Actinomycetes</i> , order <i>Micrococcales</i> )]			
CXP-46 (OQ359563)	№ 3, 0,38–0,69	<i>Brachybacterium muris</i> C3H-21 <sup>T</sup> (AJ537574)	100